



SBIO-0002.asc

SEQUENCE LISTING

<110> Chenchik, Alex

<120> Methods for Gene Function Analysis

<130> SBIO/0002

<140> 10/658,632

<141> 2003-09-08

<160> 20

<170> PatentIn version 3.2

<210> 1

<211> 43

<212> DNA

<213> human

<220>

<221> promoter

<222> (1)..(7)

<220>

<221> misc_feature

<222> (8)..(43)

<223> n=a,t,g,c

<400> 1

ggacgagnnn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn aattcatcta tgt

43

<210> 2

<211> 43

<212> DNA

<213> human

<220>

<221> misc_feature

<222> (7)..(43)

<223> n=a,t,g,c

<400> 2

cctgctccta gnnnnnnnnn nnnnnnnnnn nnnngtagat aca

43

<210> 3

<211> 59

<212> DNA

<213> human

<220>

<221> misc_feature

<222> (7)..(53)

<400> 3

gatccggatg atctggatcc accaattcaa gagattggtg gatccagatc atctttttg

59

SBIO-0002.asc

<210> 4
 <211> 59
 <212> DNA
 <213> human

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (3)..(59)

<400> 4
 gcctactaga cctagggtggg taagttctct aaccacctag gtctagtaga aaaacttaa 59

<210> 5
 <211> 75
 <212> DNA
 <213> human

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (7)..(69)

<400> 5
 gatccgggtg atctggatct accaaggctt gttttcaaga gaaacaagtc ttggtggatc 60
 cagatcatct ttttg 75

<210> 6
 <211> 69
 <212> DNA
 <213> human

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (3)..(59)

<400> 6
 gccactaga cctagatggg tcgaaagttc tctttgttca gaaccactag gtctagtaga 60
 aaaacttaa 69

<210> 7
 <211> 30
 <212> DNA
 <213> human

<220>
 <221> unsure
 <222> (8)..(21)
 <223> n=a,t,g,c

<400> 7
 tgggaaaann nnnnnnnnnn ntttttagag 30

<210> 8

<211> 30
 <212> DNA
 <213> human

<220>
 <221> unsure
 <222> (13)..(25)
 <223> n=a,t,g,c

<400> 8
 accctttttt tcnnnnnnnn nnnnnatctc

30

<210> 9
 <211> 31
 <212> DNA
 <213> human

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (6)..(31)
 <223> Viral vector sequence

<400> 9
 aaaggatgat ctggatccac caagacttgt t

31

<210> 10
 <211> 31
 <212> DNA
 <213> human

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (2)..(27)
 <223> Viral vector sequence

<400> 10
 ctactagacc taggtggttc tgaacaaaaa a

31

<210> 11
 <211> 59
 <212> DNA
 <213> human

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (17)..(42)
 <223> n=a,t,g,c

<400> 11
 agcagaagac taaaagnnnn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn nnttttatgt cttctacga

59

<210> 12
 <211> 19
 <212> DNA
 <213> human

SBIO-0002.asc

<220>
 <221> primer_bind
 <222> (11)..(19)
 <223> Viral vector sequence

<400> 12
 acgcaggtgt agcagaaga 19

<210> 13
 <211> 59
 <212> DNA
 <213> human

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (17)..(42)
 <223> n=a,t,g,c

<400> 13
 agcagaagac taaaagnnnn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn nnttttatgt cttctacga 59

<210> 14
 <211> 20
 <212> DNA
 <213> human

<220>
 <221> primer_bind
 <222> (1)..(11)
 <223> Viral vector sequence

<400> 14
 cagaagatgc tcacgacgct 20

<210> 15
 <211> 78
 <212> DNA
 <213> human

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (27)..(52)
 <223> n=a,t,g,c

<400> 15
 acgcaggtgt agcagaagac taaaagnnnn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn nnttttatgt 60
 cttctacgag tgctgcga 78

<210> 16
 <211> 78
 <212> DNA
 <213> human

SBIO-0002.asc

```

<220>
<221> misc_feature
<222> (27)..(52)
<223> n=a,t,g,c

<400> 16
tcggtccaca tcgtcttctg attttcnnnn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn nnaaaataca      60
gaagatgctc acgacgct                                                         78

<210> 17
<211> 30
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_feature
<222> (5)..(30)
<223> n=a,t,g,c

<400> 17
aaagnnnnnn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn                                     30

<210> 18
<211> 30
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(26)
<223> n=a,t,g,c

<400> 18
nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn nnnnnnaaaa                                     30

<210> 19
<211> 44
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_feature
<222> (9)..(35)
<223> n=a,t,g,c

<400> 19
tgggaaaagn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn nnnnttttt agag                        44

<210> 20
<211> 44
<212> DNA
<213> human

```

SBIO-0002.asc

<220>

<221> misc_feature

<222> (9)..(35)

<223> n=a,t,g,c

<400> 20

acccttttcn nnnnnnnnnnn nnnnnnnnnnn nnnnnaaaaa tctc

44